

N — [TM] — [SEA] — (206) — [SP domain] — C

1 206 438

↓ = protease cleavage site

FIG. 1

10 20 30 40 50 60  
AGATCAGATGGCGACTGAATAGAAGCTGCCCCAGTCCTGGGTTTCATGATGTACACACCTG  
TCTAGTCTACCGCTGACTTATCTTCGACGGGGTCAGGACCCAAGTACTACATGTGTGGAC

70 80 90 100 110 120  
TTGAATTTTCAGAAGCTGAATTCTCACGAGCTGAATATCAAAGAAAGCAGCAATTTTGGG  
AACTTAAAAGTCTTCGACTTAAGAGTGCTCGACTTATAGTTTCTTTCGTCGTTAAACCC

130 140 150 160 170 180  
ACTCAGTACGGCTAGCTCTTTTACATTAGCAATTGTAGCAATCATAGGAATTGCAATTG  
TGAGTCATGCCGATCGAGAAAAGTGTAATCGTTAACATCGTTAGTATCCTTAACGTTAAC

190 200 210 220 230 240  
GTATTGTTACTCATTTTGTGTTGAGGATGATAAGTCTTCTATTACCTTGCCTCTTTTA  
CATAACAATGAGTAAAACAACAACCTCCTACTATTCAGAAAGATAATGGAACGGAGAAAAT

250 260 270 280 290 300  
AAGTCACAAATATCAAATATAAAGAAAATTATGGCATAAGATCTTCAAGAGAGTTTATAG  
TTCAGTGTTTATAGTTTATATTTCTTTTAATACCGTATTCTAGAAGTTCTCTCAAATATC

310 320 330 340 350 360  
AAAGGAGTCATCAGATTGAAAGAATGATGTCTAGGATATTTTCGACATTCTTCTGTAGGCG  
TTTCCTCAGTAGTCTAACTTCTTACTACAGATCCTATAAAGCTGTAAGAAGACATCCGC

370 380 390 400 410 420  
GTCGATTTATCAAATCTCATGTTATCAAATTAAGTCCAGATGAACAAGGTGTGGATATTC  
CAGCTAAATAGTTTAGAGTACAATAGTTTAATTCAGGTCTACTTGTTCACACCTATAAG

430 440 450 460 470 480  
TTATAGTGCTCATATTTTCGATACCCATCTACTGATAGTGCTGAACAAATCAAGAAAAAAA  
AATATCACGAGTATAAAGCTATGGGTAGATGACTATCACGACTTGTTTAGTTCTTTTTTT

490 500 510 520 530 540  
TTGAAAAGGCTTTATATCAAAGTTTGAAGACCAAACAATTGTCTTTGACCATAAACAAAC  
AACTTTTCCGAAATATAGTTTCAAACCTTCTGGTTTGTTAACAGAACTGGTATTTGTTG

550 560 570 580 590 600  
CATCATTTAGACTCACACCTATTGACAGCAAAAAGATGAGGAATCTTCTCAACAGTCGCT  
GTAGTAAATCTGAGTGTGGATAACTGTCGTTTTTCTACTCCTTAGAAGAGTTGTCAGCGA

610 620 630 640 650 660  
GTGGAATAAGGATGACATCTTCAAACATGCCATTACCAGCATCCTCTTCTACTCAAAGAA  
CACCTTATTCTACTGTAGAAGTTTGTACGGTAATGGTCGTAGGAGAAGATGAGTTTCTT

670 680 690 700 710 720  
TTGTCCAAGGAAGGGAACAGCTATGGAAGGGGAATGGCCATGGCAGGCCAGCCTCCAGC  
AACAGGTTCCCTTCCCTTTGTCGATACCTTCCCCCTTACCGGTACCGTCCGGTCCGAGGTGC

730 740 750 760 770 780  
TCATAGGGTCAGGCCATCAGTGTGGAGCCAGCCTCATCAGTAACACATGGCTGCTCACAG  
AGTATCCCAGTCCGGTAGTCACACCTCGGTCCGAGTAGTCATTGTGTACCGACGAGTGTC

790 800 810 820 830 840  
CAGCTCACTGCTTTTGGAAAAATAAAGACCCAACTCAATGGATTGCTACTTTTGGTGCAA  
GTCGAGTGACGAAAACCTTTTATTTCTGGGTTGAGTTACCTAACGATGAAAACCACGTT

850 860 870 880 890 900  
CTATAACACCACCCGAGTGAAACGAAATGTGAGGAAAATTATTCTTCATGAGAATTACC  
GATATTGTGGTGGGCGTCACTTTGCTTTACACTCCTTTTAATAAGAAGTACTCTTAATGG

910 920 930 940 950 960  
ATAGAGAAACAAATGAAAATGACATTGCTTTGGTTTCAGCTCTCTACTGGAGTTGAGTTTT  
TATCTCTTGTTTACTTTTACTGTAACGAAACCAAGTCGAGAGATGACCTCAACTCAAAA

970 980 990 1000 1010 1020  
CAAATATAGTCCAGAGAGTTTGCCTCCCAGACTCATCTATAAAGTTGCCACCTAAAACAA  
GTTTATATCAGGTCTCTCAAACGGAGGGTCTGAGTAGATATTTCAACGGTGGATTTTGTT

1030 1040 1050 1060 1070 1080  
GTGTGTTTCGTCACAGGATTTGGATCCATTGTAGATGATGGACCTATACAAAATACACTTC  
CACACAAGCAGTGTCTAAACCTAGGTAACATCTACTACCTGGATATGTTTTATGTGAAG

1090 1100 1110 1120 1130 1140  
GGCAAGCCAGAGTGGAAACCATAAGCACTGATGTGTGTAACAGAAAGGATGTGTATGATG  
CCGTTCCGTCTCACCTTTGGTATTCGTGACTACACACATTGTCTTTCCTACACATACTAC

1150 1160 1170 1180 1190 1200  
GCCTGATAACTCCAGGAATGTTATGTGCTGGATTTCATGGAAGGAAAAATAGATGCATGTA  
CGGACTATTGAGGTCCTTACAATACACGACCTAAGTACCTTCCTTTTTATCTACGTACAT

1210 1220 1230 1240 1250 1260  
AGGGAGATTCTGGTGGACCTCTGGTTTATGATAATCATGACATCTGGTACATTGTAGGTA  
TCCCTCTAAGACCACCTGGAGACCAATACTATTAGTACTGTAGACCATGTAACATCCAT

1270 1280 1290 1300 1310 1320  
TAGTAAGTTGGGGACAATCATGTGCACTTCCCCAAAAACCTGGAGTCTACACCAGAGTAA  
ATCATTCAACCCCTGTTAGTACACGTGAAGGGTTTTTTGGACCTCAGATGTGGTCTCAT

1330 1340 1350 1360 1370 1380  
CTAAGTATCGAGATTGGATTGCCTCAAAGACTGGTATGTAGTGTGGATTGTCCATGAGTT  
GATTCATAGCTCTAACCTAACGGAGTTTCTGACCATAACATCACACCTAACAGGTACTCAA

1390 1400 1410 1420 1430 1440  
ATACACATGGCACACAGAGCTGATACTCCTGCGTATTTTGTATTGTTTAAATTCATTTAC  
TATGTGTACCGTGTGTCTCGACTATGAGGACGCATAAAACATAACAAATTTAAGTAAATG

1450 1460 1470 1480 1490 1500  
TTTGGATTAGTGCTTTTGCTAGATGTCAAGAAGCCCTTCAGACCCAGACAAATCTAATAT  
AAACCTAATCACGAAAACGATCTACAGTTCTTCGGGAAGTCTGGGTCTGTTTAGATTATA

1510 1520 1530 1540 1550 1560  
CCTGAGGTGGCCTTTACATACGTAGGACCAAAACCCTCTCTACCATGAGGGAAGAAGACAC  
GGACTCCACCGGAAATGTATGCATCCTGGTTTGGGAGAGATGGTACTCCCTTCTTCTGTG

1570 1580 1590 1600 1610 1620  
AGCAAATGACAGACAGCACCTATTCTTACTCACAAGGGAAACTGCTTGTGATACTTCCT  
TCGTTTACTGTCTGTCTGGATAAGGAATGAGTGTTCCTTTGACGAACACTATGAAGGA

1630 1640 1650 1660 1670 1680  
AATAAGATAAATAAGTGGTTTCCCTCAATTGAAGACAGGAACATCATTTTCCACAGGATA  
TTATTCTATTTATTACCAAAGGGAGTTAACTTCTGTCTTGTAGTAAAAGGTGTCCTAT

1690 1700 1710 1720 1730 1740  
TGAAGAGCTGCCAGTAATGCCAAAATCTTACCTCATATAATACCTGGAGCATGTGAGATT  
ACTTCTCGACGGTCATTACGGTTTTAGAAATGGAGTATATTATGGACCTCGTACACTCTAA

1750 1760 1770 1780 1790 1800  
CTTCTAGTGAAAAAGAACAGTCTTCCCTGAAGACTCAGGGCTTCAACATTCTAGAACTGA  
GAAGATCACTTTTTCTTGTGAGAAGGGACTTCTGAGTCCCGAAGTTGTAAGATCTTGACT

1810 1820 1830 1840 1850 1860  
TAAGTGGACCTTCAGTGTGCAAGAATGGAGAAGCATGGGATTGCAATTATGACTTGAAC  
ATTACCTGGAAGTCACACGTTCTTACCTCTTCGTACCCTAAACGTAATACTGAACTTGA

1870 1880 1890 1900 1910 1920  
GGGCTTATATCTAATAATACAGAGCACTATCACTAACCTCAACAGTTGACATTTTAAAAG  
CCCGAATATAGATTATTATGTCTCGTGATAGTGATTGGAGTTGTCAACTGTAAAATTTTC

Title: NUCLEIC ACID MOLECULES ENCODING  
TRANSMEMBRANE SERINE PROTEASE 7, THE ENCODED  
POLYPEPTIDES AND METHODS BASED THEREON  
Applicant: Edwin Madison et al.  
Filed: March 13, 2002 Appl. No.: 10/099,700  
Examiner: Unassigned Art Unit: Unassigned  
Our Docket No.: 24745-1613

1930 1940 1950 1960 1970 1980  
TTTTTAAATGTATCTGAACTTGCTGTTAACACAGTGTTATAACTCAAGCACTAGCTTCAG  
AAAAATTTACATAGACTTGAACGACAATTGTGTCACAATATTGAGTTCGTGATCGAAGTC  
  
1990 2000 2010 2020 2030 2040  
GAAGCATGTTGTGTTGTTAAGAGCTTTTTCTGATTTATTCTTTAACAGCATCTTGCCATC  
CTTCGTACAACACAACAATTCTTCGAAAAGACTAAATAAGAAATTGTCGTAGAACGGTAG  
  
2050 2060 2070 2080 2090 2100  
TATATGTTAGTAGCAGTTGGCCCAGAAAGGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
ATATACAATCATCGTCAACGGGGTCTTTCCTGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT